REST AVAILABLE COPY

PCT

WELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM Internationales Büro

INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 5: C12N 15/40, 15/54, 5/10 A01H 5/00

A2

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer:

WO 91/11517

(43) Internationales Veröffentlichungsdatum:

51305 8. August 1991 (08.08.91)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP91/00130

(22) Internationales Anmeldedatum: 24. Januar 1991 (24.01.91)

(30) Prioritätsdaten:

P 40 03 045.8

2. Februar 1990 (02.02.90) DE (74) Gemeinsamer Vertreter: HOECHST AKTIENGESELL-SCHAFT; Zentrale Patentabteilung, Postfach 80 03 20, D-6230 Frankfurt am Main 80 (DE).

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US): HO-ECHST AKTIENGESELLSCHAFT [DE/DE]; Postfach 80 03 20, D-6230 Frankfurt am Main 80 (DE).

(72) Erfinder; und (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): SCHNEIDER, Rudolf [DE/DE]; Feldbergstrasse 98, D-6233 Kelkheim (DE). DONN, Günter [DE/DE]; Sachsenring 35, D-6238 Hofheim am Taunus (DE). MÜLLNER, Hubert [DE/DE]; Staufenstrasse 1, D-6233 Kelkheim (DE). (81) Bestimmungsstaaten: AT (europäisches Patent), AU, BB, BE (europäisches Patent), BF (OAPI Patent), BG, BJ (OAPI Patent), BR, CA, CF (OAPI Patent), CG (OAPI Patent), CH (europäisches Patent), CM (OAPI Patent), DE (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), FI, FR (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), GA (OAPI Patent), GB (europäisches Patent), GR (europäisches Patent), HU, IT (europäisches Patent), JP, KP, KR, LK, LU (europäisches Patent), MC, MG, ML (OAPI Patent), MR (OAPI Patent), MW, NL (europäisches Patent), NO, DO SD SE (europäisches Patent), SO SD SE (europäisches Patent), NO, SD SE (europäisches Patent), SO SD SE (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), Patent), NO, RO, SD, SE (europäisches Patent), SN (OAPI Patent), SU, TD (OAPI Patent), TG (OAPI Patent), US.

Veröffentlicht

Ohne internationalen Recherchenbericht und erneut zu veröffentlichen nach Erhalt des Berichts.

(54) Title: VIRUS/HERBICIDE RESISTANCE GENES PROCESS FOR PRODUCING SAME AND THEIR USE

(54) Bezeichnung: VIRUS/HERBIZIDRESISTENZ-GENE, VERFAHREN ZU IHRER HERSTELLUNG UND IHRE VER-WENDUNG

(57) Abstract

Viral genes, for example "coat" protein genes, which reduce the corresponding virus infection symptoms or viral resistance, may be combined with herbicide resistance genes in order to transform plants. This combination makes it easier to select transgenic plants. In addition, in practical agricultural applications, plant vitality is increased thanks to viral tolerance and the herbicide resistance gene enables improved plant protection to be achieved.

(57) Zusammenfassung

Virusgene, z.B. "coat" Protein-Gene, die eine Reduzierung der entsprechenden Virus-Infektionssymptome oder Virusresistenz bewirken, können mit Herbizidresistenzgenen zur Transformation von Pflanzen kombiniert werden. Durch eine derartige Kombination wird die Selektion der transgenen Pflanzen erleichtert. Ausserdem wird im praktischen Feldanbau die Vitalität der Pflanzen durch die Virustoleranz gesteigert und durch das Herbizidresistenzgen ein verbesserter Pflanzenschutz möglich.

LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Code, die zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

Österreich	ES	Spanien	ML	Mali
Australien	FI	Finnland	MN	Mongolei
Barbados	FR	Frankreich	MR	Mauritanien
- Belgien	GA	Gabon	MW	Malawi
Burkina Faso	GB	Vereinigtes Königreich	NL	Niederlande
Bulgarien	GN	Guinca	NO	Norwegen .
Benin	GR	Griechenland	PL	Polen
Brasilien	HU	Ungaro	RO	Rumänica
Kanada	IT	Italien	SD	Sudan
Zentrale Afrikanische Republik	JP	Japan	SE	Schweden
•	KP	Demokratische Volksrepublik Korea	SN	Scnegal
Schweiz	KR	Republik Korca	ธบ	Soviet Union
Côte d'Ivoire	LI	Liechtenstein	TD	Tschad
Kamerun	LK	Sri Lanka	TG	Togo.
Tschechoslowakei	LU	Luxemburg	US	Vereinigte Staaten von Amerika
Deutschland	MC	Monaco		•
Dänemark	MG	Madagaskar		
	Australien Barbados Belgien Burkina Faso Bulgarien Benin Brasilien Kanada Zentrale Afrikanische Republik Kongo Schweiz Côte d'Ivoire Kamerun Tschechoslowakei Deutschland	Australien FI Barbados FR Belgien GA Burkina Faso GB Bulgarlen GN Benin GR Brasilien HU Kanada IT Zentrale Afrikanische Republik JP Kongo KP Schweiz KR Côte d'Ivoire LI Kamerun LK Tschechoslowakej LU Deutschland MC	Australien Barbados FR Frankreich Belgien GA Gabon Burkina Faso GB Vereinigtes Königreich Bulgarlen GN Guinea Benin GR Grüchenland Brasilien HU Ungarn Kanada IT Italien Zentrale Afrikanische Republik Kongo KP Demokratische Volksrepublik Korea Schweiz KR Republik Korea Li Liechtenstein Kamerun LK Sri Lanka Tschechoslowakei LU Luzemburg MC Monaco	Australien FI Finnland MN Barbados FR Frankreich MR Belgien GA Gabon MW Burkina Faso GB Vereinigtes Königreich NL Bulgarlen GN Quinca NO Benin GR Griechenland PL Brasilien HU Ungarn RO Kanada IT Italien SD Zentrale Afrikanische Republik JP Japan SE Kongo KP Demokratische Volksrepublik Korea SN Schweiz KR Republik Korea SU Cöte d'Ivoire LI Liechtenstein TD Kamerun LK Sri Lanka TG Tschechoslowakei LU Luxemburg US Deutschland MC Monaco

WO 91/11517

15

20

25

30

Beschreibung

Virus/Herbizidresistenz-Gene, Verfahren zu ihrer Herstellung und ihre Verwendung

Die Synthese von Virus "coat" Protein in Pflanzen führt zu einer verstärkten Resistenz der Pflanze gegenüber dem entsprechenden Virus. Die Europäische Patentanmeldung 0 240 331, beispielsweise, beschreibt die Herstellung von Pflanzen-Zellen, die ein solches "coat" Protein enthalten.

Tumer et al. [EMBO J. 6, 1181 (1987)] haben die
Transformation von Tabak- und Tomaten-Pflanzen mit einem
chimären Gen, das für das "coat" Protein des Alfalfa Mosaic
Virus kodiert, durchgeführt. Die Nachkommen dieser
transformierten Pflanzen zeigten eine signifikante
Reduzierung der entsprechenden Virus-Infektionssymptome, in
einigen Fällen sogar Virus-Resistenz.

Es wurde nun gefunden, daß solche Virusgene mit einem Herbizidresistenzgen kombiniert werden können, was die Selektion der transgenen Pflanzen erleichtert. Gleichzeitig wird im praktischen Feldanbau die Vitalität der Pflanzen durch die Virustoleranz gesteigert und durch das Herbizidresistenzgen ein verbesserter Pflanzenschutz möglich. Es wurde allgemein beobachtet, daß die Herbizidapplikation einen stimulierenden Einfluß auf das Wachstum ausübt. Die erfindungsgemäß transformierte Pflanze zeigt diesen Effekt verstärkt, wodurch ein verbesserter

Herbizidresistenzgene sind bereits bekannt. In der Offenlegungschrift DE 37 16 309 wird die Selektion nichtpilzähnlicher Bakterien, die gegen Phosphinothricin resistent sind, beschrieben. Aus der DNA dieser Selektanten kann das Phosphinothricin-Resistenzgen auf ein 2 kb großes Fragment eingegrenzt werden.

Pflanzenertrag erreicht werden kann.

In der Deutschen Offenlegungsschrift 37 37 918 ist ein Weg zur Synthese des Phosphinothricin-Resistenzgens aus dem Genom von Streptomyces viridochromogenes aufgezeigt. Ein Einbau in Genstrukturen, mit Hilfe derer transformierte Pflanzen gegen das Herbizid resistent werden, wird dort ebenfalls beschrieben.

Die Erfindung betrifft somit ein Gen kodierend für eine Virusresistenz kombiniert mit einer Herbizidresistenz.

10

25

5

Im folgenden wird die Erfindung detailliert beschrieben, insbesondere in ihren bevorzugten Ausführungsformen. Ferner wird die Erfindung durch den Inhalt der Ansprüche bestimmt.

Die Gene für die Virusresistenz, insbesondere die Virus "coat" Proteine, kann man ausgehend von isolierter Virus RNA durch cDNA-Klonierung in Wirtsorganismen erhalten.

Bevorzugt wird dabei von der RNA des Cucumber Mosaic Virus, des Alfalfa Mosaic Virus oder des Brom Mosaic Virus ausgegangen.

Herbizidresistenzgene können aus Bakterien, z.B. der Gattungen Streptomyces oder Alcaligenes, isoliert werden. Bevorzugt wird mit dem Phosphinothricinresistenzgen aus Streptomyces viridochromogenes (Wohlleben, W. et al., Gene 80, 25-57 (1988)) gearbeitet, das für eine Expression in Pflanzen entsprechend modifiziert werden kann.

Die Gene werden jeweils mit Hilfe der Vektoren pUC19, pUC18

oder pBluescript (Stratagene, Heidelberg, Product
Information) kloniert und sequenziert.

Das Gen wird in einen intermediären Vektor mit
Pflanzenpromotor kloniert. Derartige Vektoren sind

beispielsweise die Plasmide pPCV701 (Velten J. et al.
EMBO J. 3, 2723-2730 (1984)), pNCN (Fromm H. et al. PNAS
82, 5824-5826 (1985)), oder pNOS (an, G. et al., EMBO J. 4,
277-276 (1985)). Bevorzugt wird der Vektor pDH51 (Pietrzak,

M. et al., NAR 14, 5857, (1986)) mit einem 35S-Promotor, bzw. der Vektor pNCN mit einem Nos-Promotor verwendet.

Nach anschließender Transformation von E. coli, wie z.B

E. coli MC 1061, DH1, DK1, GM48 oder XL-1, werden positive
Klone nach an sich bekannten Methoden (Maniatis et al., Lab.
Manual), wie Plasmidminipräparation und Spaltung mit einem
entsprechenden Restriktionsenzym, identifiziert.

Diese positiven Klone werden dann zusammen in einen binären Pflanzenvektor subkloniert. Als Pflanzenvektor können pGV3850 (Zambrysk, P. et al., EMBO J. 2, 2143-2150 (1983)) oder pOCA18 (Olszewski, N., NAR 16, 10765-10782, (1988)) eingesetzt werden. Vorteilhaft wird mit pOCA18 gearbeitet.

15

20

25

30

Die erhaltenen binären Pflanzenvektoren, die Pflanzenpromotoren mit dem angehängten DNA-Fragment für die Expression von Virus Coat Protein und Phosphinthricin Resistenz in der T-DNA enthalten, werden verwendet, um Pflanzen zu transformieren. Dies kann durch Techniken wie Elektroporation oder Mikroinjektion erfolgen. Bevorzugt wird die Kokultivierung von Protoplasten oder die Transformation von Blattstückchen mit Agrobakterien angewandt. Dazu wird das Pflanzenvektorkonstrukt durch Transformation mit gereinigter DNA oder, vermittelt über einen Helferstamm wie E. coli SM10 (Simon R. et al., Biotechnology 1, 784-791 (1983)) in Agrobakterium tumefaciens wie A282 mit einem Ti Plasmid über ein "triparental mating" transferiert. Direkte Transformation und triparental mating wurden, wie in "Plant Molecular Biology Manual" (Kluwer Academic

Es können grundsätzlich alle Pflanzen mit den die erfindungsgemäß konstruierte DNA tragenden binären Pflanzenvektoren transformiert werden. Bevorzugt sind dikotyledone Pflanzen, insbesondere Nutzpflanzen, die Stärke, Kohlenhydrate, Eiweiße oder Fette in nutzbaren

Publisher, Dardrech (1988)) beschrieben, durchgeführt.

Mengen in ihren Organen produzieren oder speichern oder die Obst und Gemüse produzieren oder die Gewürze, Fasern und technisch verwertbare Produkte oder Arzneimittel, Farbstoffe oder Wachse liefern und ebenfalls Futterpflanzen. 5 Als Beispiel sollen Tomate, Erdbeere, Avocado sowie Plfanzen, die tropische Früchte tragen, z.B. Papaya, Mango, aber auch Birne, Apfel, Nektarine, Aprikose oder Pfirsich genannt werden. Ferner sollen als zu transformierende Pflanzen beispielhaft alle Getreidearten, Raps, Rüpsen... 10 angeführt werden. Die transformierten Zellen werden mit Hilfe eines Selektionsmediums selektiert, zu einem Kallus herangezüchtet und auf einem entsprechenden Medium zur Pflanze regeneriert (Shain M. et al., Theor. appl. Genet. 72, 770-770 (1986); Masson, J. et al., Plant Science 53, 167-176 (1987), Zhan X. et al., Plant Mol. Biol. 11, 15 551-559 (1988); McGranaham G. et al., Bio/Technology 6, 800-804 (1988); Novak F. J. et al., Bio/Technology 7,

Die folgenden Beispiele dienen der weiteren Erläuterung der Erfindung.

Beispiele

30

35

154-159 (1989).

25 1. Isolierung des Virus coat Protein Gens

Die Reinigung des Virus erfolgte nach einer modifizierten Methode von Lot, M. et al. Anual Phytopath. 4, 25-32 (1972). Luzerne wurden mit Alfalfa Mosaic Virus infiziert und nach 14 Tagen im gleichen Volumen 0,5 M Na-Citrat (pH 6,5)/5 mM EDTA/0,5 % Thioglykolsäure aufgeschloßen. Dann gab man 1 Volumen Chloroform hinzu und zentrifugierte 10 Min mit 12000 x g. Der Überstand wurde mit 10 % PEG 6000 (w/w) versetzt und über Nacht vorsichtig gerührt. Danach wurde 10 Min mit 12000 x g abzentrifugiert und in 50 ml 5 mM Na-Borat, 0,5 mM EDTA (pH 9) resuspendiert. Nach Zugabe von Triton-X-100 (2 % Endkonzentrationen) wurde 30 Min gerührt

und mit 19000 x g 15 Min abzentrifugiert. Das Virussediment wurde nach Zentrifugation mit 105000 x g 2 Std. in 5 mM Borat Puffer/0,5 mM EDTA (pH 9,0) aufgenommen und einer Saccharosezentrifugation (5-25 %) unterworfen.

5

10

15

30

Einzelne Fraktionen des Gradienten wurden auf einem Agarosegel analysiert, um den virushaltigen Bereich zu ermitteln. Die Virus RNA wurde durch Phenol/SDS Extraktion (Peden, K.W. et al., Virology 53, 487-492 (1973) von coat" Protein gereinigt. Die Auftrennung der RNA-Komponenten erfolgte mit Hilfe von 2,8 % Polyacrylamid mit 40 mM Trisacetatpuffer (pH 7,5) wie in Synous, R.H., Aust. J. Biol. Sci 31, 25-37 (1978) beschrieben. Die RNA wurde elektrophoretisch in Dialyseschläuchen aus dem Gel entfernt und gefällt.

cDNA Transkripte von RNA3 bzw. RNA4 wurden, wie in Langenreis, K. et al. Plant Mol. Biol. <u>6</u>, 281-288 (1986) beschrieben, mit Hilfe von synthetischen

- Oligonukleotidprimern mit 3'-komplementären Nukleotiden zum Template, die am 5'-Ende jeweils eine SmaI bzw. PstI Schnittstelle besaßen, hergestellt.
- Die Reaktionen zur cDNA Synthese erfolgten nach den

 "Current Protocols in Mol. Biol." ed. Ausubel, F. et al.,

 John Wiley and Sons.

Die cDNA wurde in den Smal/Pstl geschnittenen pUC 19 Vektor kloniert. Die Insertion konnte mit Smal/HindIII wieder entfernt werden.

Die vorgehend beschriebene Methode kann ebenso für die Isolierung des CMV "coat" protein Gens angewendet werden.

2. Isolierung des Herbizidresistenz Gens

Es wurde ein Phosphinothricinresistenzgen mit folgender Sequenz nach der Phosphoamidit-Methode in einem Synthesizer synthetisiert.

			9			18			27			36			
5'	GTC	GAC	BTA	TCT	CCG	GAG	AGG	ABA	CCA	GTT	BAB	ΔΤΤ	AGB		45
3.		. (6	TAC	AGA	GGC	CTC	TCC	TCT	GGT	CAA	CTC	TAA	TCC	GRT	LEV 'PC I
			34			63			72			D (80
	ACA	GCA	GCT	GAT	ATB	GCC	GCG	GTT	TGT	GAT	ATC	GTT	AÁC	CAT	TAD
10	161	וטו	CGA 99	CIA	TAC	CGG	CGC	CAA	ACA	CTA	TAG	CAA	TTG	BTA	DTA
	ATT	RAR		TCT	ACA	108	AAC	TTT	117	000		126	•		135
	TAA	CTC	ACG TGC	AGA	TRT	CAC	TTR		TCC	TET	CTC	CCA	CAA	ACA	CCA
•			144		•••	153		7-11-1	162	161		171	GII	TET	
	CAA	GAG	TGG	ATT	BAT		CTA	GAG	AGG	TTG	CAA	GAT	ΔΩΔ	TAC	180
•	GTT	CTC	ALL	TAA	CTA	CTA	GAT	CTC	TCC	AAC	BTT	CTA	TCT	ATR	BBA
			764			198	-		207			714			225
15	TEG	TIG	GTT	GCT	GAG	GTT	GAG	GGT	GTT	GTO	GCT	GGT	ATT	BCT	TAC
	ALL	AAC	CAA 234	CGA	CTC	243	CTC	CCA	CAA	CAC	CGA		TAA	CGA	ATB
	BCT	222		TGG	000		VGG	^^~	252	T AD		261			270
	CGA	CCC	CCC		TTC	CEA	TCC	TTC	CCA	ATC	GAT				
			279			288		116	297	HIG	LIA	306	161	CAA	
	AGT	ACT	GTT	TAC	GTB		CAT	AGG		CAA	ARR	TTE	BBC	ETA	315
20	TCA	TGA	CAA	ATG	CAC	AGT	GTA	TCC	GTA	GTT	TCC	AAC	CCG	GAT	CCT
			324			333			342			351			740
	TCC	ACA	TTG	TAC	ACA	CAT	TTG	CTT	AAB	TCT	ATG	BAB	GCG	CAA	CCT
	AGG	TGT	AAC	ATB	TGT	GTA	AAC	GAA	TTC	AGA	TAC	CTC	CGC	GTT	CCA
	TTT	000	369	CTC	6	378			387			396			405
	AAA	TTC	TCT AGA	COC		CEV		TAT	GGC	CTT	CCA	AAC	GAT	CCA	TCT
•	HILL		414		·	423	CHH	IMI	432	GAA	1 25	441	CTA	GGT	
25	GTT	AGG	TTG	CAT	GAG		TTB	GGA		909	BCC		CCT	ACA	450 TTC
	CAA	TCC	AAC	GTA	CTC	CGA	AAC	CCT	ATG	TGT	CGG	BCC	CCA	TGT	
			459			468			477			486			495
	CGC	GCA	GCT	GGA	TAC	AAG	CAT	GGT	GGA	TGG	CAT	GAT	GTT	GGT	TTT
	GCG	CGT	CGA	CCT	ATG	TTC	GTA	CCA		ACC	GTA		CAA	CCA	AAA
	700	500	504			513	TT 5		522			531		•	540
	VCC	GTT	AGG	CTA	000	CTC	000	CCA	SCT	CCT	CCA	AGG	CCA	GTT	AGG
30	HUL	311	549	CIM	mmm	558	AAC	ו טט	LUA	BUU	GG T	FCC	GGT	CAA	TCC
	CCA	втт	ACC	CAG	ATC		G		3.	•					
			TGG					CTG							
•								_	-						

Es handelt sich hierbei um eine Modifikation der von

Wohlleben in Gene 70, 25-37 (1988) veröffentlichten Sequenz
für das Acetyltransferasegen.

Es ist ebenfalls möglich, eine genomische DNA-Bank aus dem von Wohlleben benutzten Streptomyces viridochromogenes in EMBL3 in E. coli auf Acetylierung von Phosphinothricin zu untersuchen. Das acetylierte Produkt kann sehr leicht dünnschichtchromatographisch aufgetrennt werden.

Das Gen wurde in pUC19 kloniert und sequenziert. Die Expression in Pflanzen erfolgte als SalI-Fragment.

3. Fusion Herbizidresistenzgen mit Nos Promotor

Der Vektor pNCN wurde Bam/Sall verdaut und das entstehende 2,5 bp Stück isoliert. Die überstehenden Enden wurden mit Mung bean Nuclease abverdaut. Das Acetyltransferase Gen wurde als 0,5 bp Stück nach Sall Verdau isoliert und mit Klenow aufgefüllt. Nach Ligase konnten positive Klone durch Plasmidminipräparationen isoliert werden. Die Orientierung ergab sich aus einem Sall/Bam Verdau.

20 4. Fusion "coat" Protein Gen mit 35S Promotor

Ein 0,5 Basenpaare langes Fragment aus pAI RNA3 (dem pUC19 Vektor mit "coat" Protein Gen Insert) wurde nach SmaI/Hind III Verdau isoliert. Die überstehenden Enden wurden durch

Mung bean Nuclease abverdaut. Der Vektor pDH 51 wurde mit XbaI geschnitten und die Enden mit Klenow-Polymerase aufgefüllt. Fragment und Vektor wurden ligiert und in MC 1061 transformiert (p35/AI). Dieselbe Konstruktion wurde mit pCM RNA3 für das "coat" Protein von CMV geschaffen (p35/CM).

- 5. Fusion von 355/"coat" Protein Gen und nos/Acetyltransferase Gen
- Ein 1,3 kb Stück aus dem 35S/"coat" Protein Konstrukt (p35/AI, p35/CM) wurde nach EcoRI Verdau aus einem "low

WO 91/11517 PCT/EP91/00130

8

melt" Agarose Gel isoliert. Der Pflanzenvektor pOCA 18 wurde EcoRI verdaut und mit dem 1,3 kbp DNA Stück ligiert. Dieser pOCA/35 RNA3 Vektor wurde mit Klenow aufgefüllt. Ein 2,5 kbp Hind III Stück aus nos/AC wurde nach Klenow Behandlung der Enden in die aufgefüllte ClaI Stelle eingesetzt.

Konstruktionen: pOCA/AcAI3 pOCA/AcCM3

10

5

6. Transformation von Agrobakterien

Der Agrobakterienstamm pMP90RK wurde mit pOCA/AcAI3 bzw.
pOCA/AcCM3 im triparental mating mit SM10 transformiert. Je
100 µl Bakterien aus Übernachtkulturen von SM10, die die
Konstruktion tragenden MC 1061 und der Agrobakterien wurden
abzentrifugiert und zusammen in 30 µl LB Medium
suspendiert. Diese Zellen gab man auf ein kleines
Rundfilter auf einer LB-Platte ohne Antibiotikum. Nach 12
20 Std. Inkubation bei 37°C wurde der Filter in 2,5 ml 10 mM
MgCl₂ gewaschen und Aliquots davon auf LB-Platten mit
Rifampicin, Tetrazyklin und Kanamycin selektiert. Positive
Kolonien wurden durch Hybridisierung mit ³²P markierter DNA
der Gene identifiziert.

25

7. Transformation von Luzerne

Zur Transformation der Luzerne wurde eine modifizierte Version der Kokultivierungsmethode nach Marton S. et al.,

Nature 277, 129-130 (1979) eingesetzt. Etwa 1 cm lange Stengelabschnitte von sterilen Pflanzen wurden in Erlenmeyerkolben in 40 ml steriles MS Medium gegeben und 11 ml einer verdünnten Übernachtkultur der Agrobakterien (5 x 10⁷ Zellen/ml) zugegeben. Die Inkubation wurde 3 Tage bei 25°C fortgesetzt. Die Stengelsegmente wusch man anschließend dreimal mit sterilem Wasser und brachte sie

auf MS-Medium mit 300 mg/l Carbamicillin und 100 mg/l Kanamycin. Nach 3 Wochen bildete sich ein Kallus, aus dem ganze Pflanzen regeneriert werden konnten.

5 8. Test der Pflanzen

Die Pflanzen zeigten nach Aufarbeitung von RNA und Hybridisierung mit radioaktiv markierter DNA der Gene Expression von AC-Gen mit Alfalfa Mosaic Virus "coat" Protein Gen.

Die Pflanzen wuchsen auf phosphinothricinhaltigem Medium und zeigten deutliche Toleranz nach Infektion mit Alfalfa Mosaic Virus.

20

Patentansprüche

- 1. Gen kodierend für eine Virusresistenz kombiniert mit einer Herbizidresistenz.
- Gen nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß es für
 ein Virus "coat" Protein kodiert.
- Gen nach Anspruch 1 oder 2, dadurch gekennzeichnet, daß der für die Virusresistenz verantwortliche Teil des Gens durch cDNA Klonierung ausgehend von der RNA des
 Cucumber Mosaic Virus, des Alfalfa Mosaic Virus oder des Brom Mosaic Virus erhältlich ist.
 - 4. Gen nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 3, dadurch gekennzeichnet, daß es für die Phosphinothricinresistenz kodiert.
 - 5. Gen nach Anspruch 4, dadurch gekennzeichnet, daß Phosphinothricinresistenzgen aus ... verwendet wird.
 - 6. Wirtszelle enthaltend ein Gen nach einem der Ansprüche 1 bis 5.
- 7. Pflanzen, Pflanzenzellen sowie Teile oder Samen der Pflanzen enthaltend das Gen nach einem der Ansprüche 1 bis 5.